

Seleção de *primers* para a amplificação por PCR de regiões do gene da leptina bubalina

Rafael Pereira da Silva¹; Luciana Gatto Brito²; Audrey Bagon³

A carne de búfalo é considerada um alimento nobre, tanto pelo seu valor nutricional, como pelos aspectos sensoriais extremamente desejáveis. A utilização de técnicas de biologia molecular nos estudos de genoma bubalino permite identificar indivíduos com genótipos favoráveis para a produção de carne. Dentre os genes de interesse para programas de melhoramento genético de búfalos podemos citar o gene da leptina, associado a características de interesse pecuário como a deposição de gordura na carcaça, produção de leite, capacidade de consumo, conversão alimentar, bem como características reprodutivas. O objetivo do presente trabalho foi identificar e selecionar pares de *primers* para amplificação por PCR da região promotora e exon 1 do gene da leptina bubalina depositada no *Genbank* (AY495586). O DNA genômico foi extraído de sangue bubalino e três pares de iniciadores foram selecionados por meio do programa Gene Runner[®], considerando suas posições na sequência de DNA. A visualização do produto amplificado pela eletroforese em gel de agarose na concentração de 1,5% indicou que a PCR realizada com o *primer* LEPTBU1 apresentou banda bem definida de 474 pb e não houve amplificações inespecíficas.

Palavras-chave: bubalino, *primers*, leptina.

¹ Graduando em Medicina Veterinária da FIMCA, bolsista PIBIC/CNPq/Embrapa Rondônia, Porto Velho, RO, rafa_p.s@hotmail.com

² Médica Veterinária, D.Sc. em Parasitologia Veterinária, pesquisadora da Embrapa Rondônia, Porto Velho, RO, luciana@cpafro.embrapa.br

³ Médica Veterinária, D.Sc. em Biologia Molecular, bolsista CNPq/Embrapa Rondônia, Porto Velho, RO, abagon14@yahoo.com.br