

**ISOLAMENTO E CARACTERIZAÇÃO MOLECULAR DE NOVOS ANTÍGENOS DE  
*Corynebacterium pseudotuberculosis* PARA USO COMO VACINA DE DNA  
NO CONTROLE DA LINFADENITE CASEOSA**

Oliveira, M. B. (1); Araújo, F. R. (2); Soares, C. O. (2); Pereira, R. R. B. (3); Elisei, C. (4); Rosinha, G. M. S. (2). (1) Acadêmica de Biologia, UNIDERP, Bolsista de Iniciação Científica, [maristeli@mail.uniderp.br](mailto:maristeli@mail.uniderp.br). (2) Pesquisador, Embrapa Gado de Corte. (3) Acadêmica de Biologia, UNIDERP, estagiária da Embrapa Gado de Corte. (4) Bolsista DCR FUNDECT/CNPq.

Linfadenite caseosa é uma doença infecciosa, causada pela bactéria intracelular facultativa *Corynebacterium pseudotuberculosis*, que acomete caprinos e ovinos. Esta doença é de grande importância econômica para a ovinocultura e caprinocultura, com os principais prejuízos observados na diminuição da produção de leite e carne e condenação de peles e carcaças. A busca de uma vacina eficiente contra *C. pseudotuberculosis* tem sido objeto de estudo de vários grupos de pesquisas. Recentemente surgiram as vacinas de DNA ou de terceira geração, onde um gene que codifica um antígeno potencialmente imunogênico é clonado em um vetor de expressão eucariótico e introduzido em um animal. O principal objetivo deste estudo consiste na identificação e caracterização de novos genes que codificam potenciais antígenos e avaliação do potencial imunoprotetor destes antígenos específicos de *C. pseudotuberculosis* na busca de novas estratégias de vacinação, através do estudo dos mecanismos imunológicos que contribuem para esta proteção. Foram coletadas cepas de *C. pseudotuberculosis* diretamente de abscessos de caprinos e ovinos, as quais foram cultivadas em caldo de infusão de cérebro e coração, sendo em seguida plaqueadas em meio ágar sangue para a obtenção de colônias isoladas. Para a realização da reação em cadeia da polimerase foram desenhados oligonucleotídeos do gene da fosfolipase D, (*pld*) com a finalidade de certificação das cepas isoladas. A extração de DNA genômico de *C. pseudotuberculosis* foi otimizada para aproximadamente 3 µg/µL. Após a extração foram realizadas várias baterias de digestão deste DNA com enzima de restrição *Sau 3A I* para a obtenção de uma digestão parcial, com o objetivo de obter-se fragmentos de DNA no intervalo de 1000 a 5000 pb para a construção da biblioteca genômica de expressão de *C. pseudotuberculosis*. (Projeto financiado pela EMBRAPA e BNB).







