

ESTUDO DA VARIABILIDADE GENÉTICA EM *Stylosanthes guianensis* UTILIZANDO MARCADORES RAPD

Chiari, L. (1); Valle, J. V. do (2); Resende, R. M. S. (3); Jungmann, L. (3); Salgado, L. R. (4); Leguizamon, G. O. C. (5). (1) Bolsista DCR/CNPq, Embrapa Gado de Corte, lchiari@cnpqc.embrapa.br. (2) Bolsista Iniciação Científica CNPq/Embrapa. (3) Pesquisadora da Embrapa Gado de Corte. (4) Estagiário da Embrapa Gado de Corte. (5) Laboratorista da Embrapa Gado de Corte.

Stylosanthes guianensis é considerada uma das leguminosas mais promissoras para utilização como forrageira no Cerrado, pois apresenta alta produção de matéria seca e retenção de folhas verdes em períodos de seca em solos de baixa fertilidade. Entretanto, pouco se conhece acerca da variabilidade genética dentro e entre acessos de *S. guianensis*. A utilização de recursos genéticos depende tanto da identificação de acessos agronomicamente superiores quanto da variabilidade genética para sua utilização em programas de melhoramento. Com objetivo de se determinar a variabilidade genética em *S. guianensis*, 20 acessos tiveram seus DNAs extraídos, amplificados com 31 *primers* RAPD e submetidos à eletroforese em gel de agarose 1,5%. Após a análise dos perfis eletroforéticos, uma matriz de similaridade foi gerada utilizando o coeficiente de Jaccard e os acessos foram agrupados utilizando-se os métodos UPGMA e de Tocher. Os 31 *primers* geraram 155 bandas, perfazendo uma média de cinco bandas por *primer*, sendo 55 delas polimórficas (35,48%). A similaridade genética entre os acessos variou de 0,758 a 0,955. A análise de agrupamento pelo método de Tocher discriminou sete grupos, o maior deles com 10 acessos, o segundo com cinco e os demais com um acesso cada. O agrupamento pelo método UPGMA foi muito semelhante ao obtido pelo Tocher só diferindo na disposição final dos grupos e a discriminação maior entre os acessos. Os resultados obtidos por marcadores RAPD revelam um baixo nível de polimorfismo refletindo numa relativamente baixa variabilidade genética interacessos. Este estudo servirá de base para a realização de cruzamentos controlados entre os acessos, bem como para escolha dos *primers* que serão utilizados no estudo da taxa de cruzamento dessa espécie, visando gerar informações para subsidiar o programa de melhoramento genético de *S. guianensis* na Embrapa Gado de Corte. (Projeto financiado pela Embrapa Gado de Corte, CNPq, FUNDECT e UNIPASTO).