

888

Novas fontes de resistência de cacauero a *Monilophthora pernicioso*. Albuquerque, PSB de¹; Monteiro, TMA²; Miranda, VS². ¹CEPLAC-ERJOH, Rod. BR 316 Km 17, 67105-970, Marituba-PA, Brasil; ²UFRA, Belém-PA. New source of resistance of cocoa to *Monilophthora pernicioso*.

A vassoura-de-bruxa (*Monilophthora pernicioso*) é a principal doença da lavoura cacauero no Brasil. O uso de variedades resistentes é uma das principais medidas de controle desta enfermidade. Como estratégia de se ampliar a base genética das fontes de resistência a esse patógeno, coletas de cacaueros nativos foram realizadas em diferentes pontos da Amazônia brasileira. O objetivo deste trabalho foi avaliar os níveis de resistência de 12 acessos de cacauero coletados em seis bacias hidrográficas da Amazônia. Após 50 dias da emergência, plântulas de cacauero foram inoculadas com suspensão de basidiósporos de *M. pernicioso*. Decorridos 40 dias após as inoculações, realizaram-se as avaliações com base na incidência de sintoma. Os acessos CAB5280, CAB5284 provenientes do rio Purus e CAB276 do rio Amazonas apresentaram níveis satisfatórios de resistência.

889

21783

Avaliação de linhagens de milho quanto à ocorrência de grãos ardidos. Araújo, BH⁴; Costa, RV¹; Cota, LV¹; Lauro Guimarães, LJM¹; Lanza, FE³; Silva, DD²; Casela, CR¹; Pereira, IS²; Parentoni, SN¹. ¹Pequisador Embrapa Milho e Sorgo; ²Doutorando(a) Fitopatologia – UFLA/Embrapa. ³Mestrando Fitopatologia – UFV/Embrapa. ⁴Acadêmico Agronomia/FEAD/Embrapa. Embrapa Milho e Sorgo. E-mail: veras@cnpm.embrapa.br. Evaluation of maize inbred lines as the occurrence of kernel rot.

Perda da qualidade dos grãos e produção de micotoxinas, são os principais prejuízos causados pela infecção da espiga por fitopatógenos. O uso de genótipos resistentes pode ser a medida mais viável de controle de grãos ardidos. 120 linhagens do programa de melhoramento de milho da Embrapa Milho e Sorgo foram avaliadas quanto à incidência de patógenos causadores de grãos ardidos. Os grãos foram submetidos à análise de sanidade, empregando-se o teste de "Blotter". Após o período de incubação as amostras foram analisadas para a determinação qualitativa e quantitativa dos fungos associados aos grãos. Foram observadas diferenças significativas entre as linhagens de milho com relação à produção de grãos ardidos. As linhagens 161-1 S13, 30E, L1011, L 53 e L56800. 67 apresentaram menor incidência de grãos ardidos, 1,39%, 1,51%, 1,59%, 2,38% e 2,56%, respectivamente (peso dos grãos ardidos em relação à amostra). As maiores incidências foram detectadas nas linhagens L 520 e TR10DM-17 S7 que apresentaram valores de 47,17% e 58%, respectivamente. *Fusarium subglutinans* e *Stenocarpella maydis* foram os patógenos detectados em maior frequência nas análises de sanidade. Os fungos *Drechslera spp.*, *Curvularia spp.*, *Penicillium spp.* e *Rhizoctonia spp.* foram detectados em menor frequência.

890

21782

Incidência de podridão de colmo causada por *Fusarium moniliforme* em genótipos de milho. Lanza, FE³; Costa, R.V.¹, Casela, CR¹; Silva, DD²; Pereira, IS²; Araujo, BH⁴. ¹Pequisador Embrapa Milho e Sorgo; ²Doutorando(a) Fitopatologia–UFLA/Embrapa; ³Mestrando Fitopatologia–UFV/Embrapa; ⁴Acadêmico Agronomia/FEAD/Embrapa. Embrapa Milho e Sorgo. E-mail: versa@cnpm.embrapa.br. Incidence of stalk rot caused by *Fusarium moniliforme* in maize genotypes.

O ensaio foi realizado na safrinha de 2006 com objetivo de avaliar a reação de genótipos de milho da Embrapa-CNPMS e de outras empresas, quanto a podridão do colmo causada por *Fusarium moniliforme*. Os genótipos testados foram: BRS1001, BRS3003, BR206, BRS1010, BRS3123, BRS1030, BRS3150, BRS2110, BR205, BRS2020, BRS2223, BRS1031, BR201, BRS1035, BR106, AG1051, P30F80 e BRS2114. Em cada parcela foram coletados entrenós do colmo, em três plantas, nos três terços da planta (superior, médio e inferior). Quatro fragmentos de cada entrenó foram desinfetados e transferidos para placas de petri contendo meio de aveia. As placas foram mantidas em câmara de incubação sob luz fluorescente contínua e temperatura de 25°C durante quatro dias. Os genótipos BRS1001, BRS3003, BR206, BRS1010, BRS3123, BRS1030, BRS3150, BRS2110 e BR205 apresentaram as menores médias de incidência de *F. moniliforme* diferindo estatisticamente pelo teste LSD a 5% de probabilidade dos genótipos BRS1035, BR106, AG 1051, P30F80 e BRS2114 que apresentaram as médias mais elevadas. Quanto à incidência de *F. moniliforme* em relação a sua distribuição no colmo, as médias para infecção na base do pendão (superior), no entrenó da espiga (média) e na base do colmo (inferior) foram de 28,7; 24,8 e 9,72 %, respectivamente. Não houve diferença significativa entre as partes superior e média, mas estas diferiram da parte inferior pelo teste LSD a 5% probabilidade.