

# GENETICS

## and MOLECULAR BIOLOGY

ISSN 1415-4757

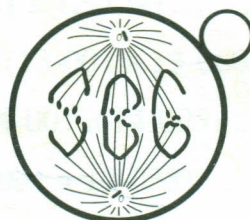
VOL. 22 - Nº 3 - SUPPLEMENT

OCTOBER 1999

### PROGRAMA E RESUMOS

(PROGRAMME AND SUMMARIES)

Homenagem: 50º do Depto de Genética - UFRGS  
Prof. Dr. Crodowaldo Pavan



45º CONGRESSO NACIONAL DE  
GENÉTICA

03 a 06 de Outubro de 1999

GRAMADO - RS

---

**15-029 AVALIAÇÃO DE POPULAÇÕES NATURAIS DE CAIAUÉ (*E. oleifera* Kunth) COLETADAS NA AMAZÔNIA BRASILEIRA.** R. N. V. Da Cunha; E. Barcelos; Bruno Nouy, N. R. Sousa. Embrapa Amazônia Ocidental, Caixa Postal 319, 69011-970, Manaus, Amazonas. e-mail: raimundo@cpaa.embrapa.br

O caiaué (*E. oleifera*) é uma palmácea originária do continente americano, sendo encontrado numa faixa compreendida entre o sul do México até a Bacia amazônica. A principal importância dessa espécie reside na possibilidade de ser utilizada em cruzamentos interespecíficos com dendê (*E. guineensis*) como fonte de resistência às principais doenças que afetam o dendezeiro. O objetivo do trabalho é avaliar 30 populações naturais de caiaué coletadas em 12 locais da Amazônia brasileira. O ensaio foi instalado na Estação Experimental do Rio Urubu, situada no município de Rio Preto da Eva, Amazonas. O delineamento estatístico foi de blocos casualizados com 30 tratamentos, 4 repetições e 9 plantas úteis por parcela. As características avaliadas foram número de cachos (NC), peso total de cacho (PT) e peso médio de cachos (PM) aos 13 e 14 anos após o plantio. As análises estatísticas foram efetuadas ao nível de média de parcelas. As médias gerais para as variáveis mensuradas foram 4,98 (NC), 37,66 Kg/planta (PT) e 7,48 Kg (PM), enquanto os coeficientes de variação ambiental ( $CV_e$ ) e de variação genética ( $CV_g$ ), foram para NC (19,00% e 21,60%), PT (23,21% e 23,43%), PM (10,61% e 11,09%) e a razão entre  $CV_g$  e  $CV_e$  ficou em torno de uma unidade para as três variáveis, respectivamente. Os coeficientes de herdabilidade ( $h_m$ ) foram para NC (0,84), PT (0,80) e PM (0,81). As estimativas desses parâmetros genéticos das variáveis estudadas indicaram que as populações apresentam variabilidade genética suficientes para a obtenção de ganhos genéticos com seleção. Órgão financiador: Embrapa/PPG7

---