

Identificação de *Liriomyza* Mik (Diptera: Agromyzidae) do Nordeste do Brasil com base em dados morfológicos e moleculares

Viviane R. de Sousa; Márcia S. Couri; Daniela M. Takiya; Nívia da S. Dias-Pini

Liriomyza é um gênero mundial diverso com cerca de 450 espécies conhecidas. Algumas espécies são importantes pragas agrícolas, pois são altamente polífagas atacando diversas culturas de plantas de interesse econômico. O objetivo deste trabalho é identificar espécies de *Liriomyza* encontradas em cultivos no Nordeste do Brasil. O material foi coletado de cinco cultivos: melão, melancia (Rio Grande do Norte), tomate, gipsofila e crisântemo (Ceará). A identificação morfológica das espécies foi realizada com a análise das terminálias masculinas e femininas dissecadas e comparação com informação disponível na literatura. Um exemplar macho de cada localidade foi utilizado para a extração de DNA e sequenciamento da região barcode do gene COI. O alinhamento múltiplo, cálculo das distâncias não-coriadas e análise de neighbour-joining (NJ) foram realizados no programa MEGA (v.6.0). Nos cultivos de melão, melancia e tomate foi encontrada a espécie *Liriomyza sativae* Blanchard e para os cultivos de gipsofila e crisântemo a espécie *Liriomyza huidobrensis* (Blanchard). A árvore de NJ gerada mostrou altos valores de suporte bootstrap das amostras analisadas junto com outras sequências do GenBank: *L. sativae* (bootstrap = 95); *L. huidobrensis* (bootstrap = 99). *L. sativae* apresentou distâncias de 5.3-6.2% quando comparadas com as outras sequências disponíveis no GenBank. Estudos prévios de *L. sativae* demonstraram distâncias variando de 2.5-8.6% sugerindo que essa espécie pode abrigar espécies crípticas. Um único haplótipo de *L. huidobrensis* foi encontrado, que apresentou distâncias de 0.3-0.9% com as demais sequências disponíveis. Como resultado, tanto os dados morfológicos quanto os moleculares foram congruentes quanto a identificação das espécies de *Liriomyza*. A identificação das moscas minadoras é de grande importância, pois proporciona conhecimento da diversidade local e direcionam demais possibilidades para estudos com essas sérias pragas agrícolas.

Palavras-chave: Taxonomia; DNA barcode; moscas-minadoras

Apoio institucional: CNPq; EMBRAPA; FAPERJ

Filiação institucional: Museu Nacional, Universidade Federal do Rio de Janeiro