



RESUMOS

DIVERSIDADE GENÉTICA DA COMUNIDADE DE FUNGOS MICORRÍZICOS ARBUSCULARES DA RIZOSFERA DE GENÓTIPOS DE MILHO CULTIVADOS SOB DIFERENTES FONTES E NÍVEIS DE FÓSFORO

CAMPOLINO, M.L.^{1,2}; LANA, U.G.P.²; COELHO, A.M.²; GOMES, E.A.²; DE SOUSA, S. M.^{1,2}

¹Programa de Pós-graduação em Bioengenharia, Universidade Federal de São João del-Rei, São João del-Rei, MG, Brasil. ²Embrapa Milho e Sorgo, Sete Lagoas, MG, Brasil. E-mail: mlcampolino@hotmail.com

INTRODUÇÃO Os fertilizantes químicos, dentre eles os fertilizantes fosfatados, têm sido fundamentais para a intensificação da agricultura, garantindo o cultivo e a produtividade do milho em diferentes regiões do Brasil. Entretanto, parte do fertilizante fosfatado adicionado torna-se indisponível às plantas devido ao processo de fixação às partículas do solo, o que aumenta significativamente os custos de produção. Uma alternativa para aumento da eficiência de uso do fósforo (P) pelas plantas é a utilização de fontes menos solúveis associadas a genótipos mais eficiente com capacidade de associação com fungos micorrízicos arbusculares (FMA). **OBJETIVO** O objetivo desse estudo foi avaliar a diversidade genética da população de FMA da rizosfera de genótipos de milho cultivados sob diferentes fontes e níveis de P. **METODOLOGIA** Quatro genótipos de milho foram cultivados em condições de campo na safra de 2016/17 e 2017/18, sob três fontes de P, totalmente solúvel (superfosfato triplo), parcialmente solúvel (fosfato reativo - Bayóvar) e insolúvel (fosfato de rocha - Itafós) e três doses de P, 0, 50 e 100 Kg de P₂O₅ ha⁻¹. Amostras de solo rizosférico e solo não rizosférico (controle) foram coletados no período de florescimento e analisadas pela técnica de T-RFLP (Polimorfismo de Comprimento de Fragmentos Terminais de Restrição). **RESULTADOS** O genótipo e o tipo de fonte fosfatada não interferiram significativamente na comunidade de FMA. No entanto, foi verificado o efeito da dose de P dentro de cada fonte fosfatada na estruturação da comunidade microbiana, com formação de três grupos distintos I (solo não rizosférico), II (0 Kg de P₂O₅ ha⁻¹) e III (50 e 100 Kg de P₂O₅ ha⁻¹) para as duas safras avaliadas. **CONCLUSÃO** Esses resultados sugerem que a disponibilidade de P é o fator predominante na estruturação das comunidades de FMA na rizosfera de milho dos genótipos de milho avaliados, indicando uma remodelagem estrutural e funcional de acordo com a dose de P.

Palavras chaves: T-RFLP, *Zea mays*, fertilizantes.

Apoio financeiro: Embrapa e CNPq