

Especialidade: **Controle Biológico**

DIVERSIDADE GENÉTICA ENTRE ISOLADOS DE *HIRSUTELLA THOMPSONII* ANALISADA ATRAVÉS DA ANÁLISE DE AFLP E DE SEQUENCIAMENTO PARCIAL DO GENE *B-TUBULINA*

Myrian Silvana Tigano¹, Byron Adams², Saowanit Maimala³, Drion G Boucias⁴

¹ Embrapa-Cenargen (EMBRAPA), ² Microbiology & Molecular Biology (BYU), ³ Agriculture (KU), ⁴ Entomology and Nematology (UF)

Resumo

A técnica de AFLP ("Amplified fragment length polymorphism") foi utilizada para analisar o polimorfismo entre 43 isolados de *Hirsutella thompsonii* obtidos de várias espécies de ácaros. As espécies *H. nodulosa* e *H. kirchneri* foram utilizadas como "outgroups". Análises filogenéticas dos dados obtidos mostraram variação significativa entre os isolados, com a formação de três grupos para *H. thompsonii*. Os isolados também foram analisados através de PCR específico para o gene da exotoxina *Hirsutelin A (HtA)*, e para 18 isolados e os "outgroups" foi obtido o sequenciamento parcial do gene β -*tubulina*. As análises filogenéticas das seqüências de β -*tubulina* mostraram a formação de dois grupos para os isolados de *H. thompsonii*, sendo que um dos grupos incluiu os grupos I e II obtidos na análise de AFLP. Para os marcadores moleculares analisados, não foi observada correlação dos agrupamentos com a origem geográfica nem com o hospedeiro de origem dos isolados. Esses resultados confirmaram a alta variabilidade intraespecífica de *H. thompsonii*, indicando a não formação de grupo monofilético nessa espécie.

Palavras-chave: **Hirsutella thompsonii, Taxonomia de fungos, Fungos entomopatogênicos**