

Produção de doze genótipos de feijoeiro-comum inoculados com oito isolados de *Curtobacterium flaccumfaciens* pv. *flaccumfaciens*

*Stella Cristina Dias Valdo Lima*¹, *Adriane Wendland*², *Maythsulene Inácio Sousa Oliveira*³, *Leonardo Cunha Melo*⁴, *Helton Santos Pereira*⁵, *Luis Claudio de Faria*⁶, *Leila Garcês Araujo*⁷

A murcha-de-curtobacterium causada por *Curtobacterium flaccumfaciens* pv. *flaccumfaciens* (Cff), é responsável por perdas significativas na cultura do feijão. O objetivo deste trabalho foi avaliar a produção de doze genótipos de feijoeiro-comum inoculados com os isolados CNPAFCff04, CNPAFCff11, CNPAFCff25, CNPAFCff27, CNPAFCff31, CNPAFCff33, CNPAFCff34 e CNPAFCff36. A inoculação foi realizada com duas punções no epicótilo com auxílio de uma seringa, aplicando-se 100µl do inóculo, no controle utilizou-se água destilada estéril. Os dados foram submetidos à análise de variância, teste de Scott-Knott e correlação de Pearson. Não houve diferenças significativas entre os isolados, contudo estes diferiram das testemunhas inoculadas com água. As médias de severidade e produção apresentaram correlação significativa a 1% pelo teste t, deste modo as médias de severidade da doença e a produção estão negativamente correlacionadas (-0,5094), isto é, quanto maior a média de severidade, menos o genótipo produziu. Os genótipos apresentaram diferenças significativas e foram classificados em quatro grupos. O primeiro grupo foi formado pelos genótipos BRS Estilo, BRS Cometa, CNFP 10429 e Coquinho, os quais foram os menos produtivos e com as maiores médias de severidade da doença. Os genótipos BRS Pontal, BRS Notável, BRS Esteio, BRS Esplendor, CNFP 10132 e Vermelho obtiveram produção mediana. O genótipo CNFRS 11997 obteve produção superior que os genótipos anteriores, compondo o terceiro grupo e o genótipo IPA 9 formou o quarto grupo, sendo o mais produtivo e também o mais resistente. A perda de produção do genótipo IPA 9 foi de 7,65% enquanto que do genótipo BRS Estilo foi de 99,00%, quando comparados com as respectivas testemunhas inoculadas com água, indicando que genótipos mais suscetíveis produzem menos. As informações obtidas neste trabalho são importantes para seleção de genótipos candidatos para integrar o programa de melhoramento de feijoeiro-comum visando resistência a doenças, dado que a murcha-de-curtobacterium afeta a produção de sementes desta cultura, sendo fundamental a utilização de genótipos resistentes a esta doença para minimizar as perdas.

¹ Doutoranda em Genética e Melhoramento de Plantas - UFG, bolsista Fapeg na Embrapa Arroz e Feijão, Santo Antônio de Goiás, GO, sdiasvaldo@gmail.com

² Dra em Fitopatologia, pesquisadora da Embrapa Arroz e Feijão, Santo Antônio de Goiás, GO, adrianew@cnpaf.embrapa.br

³ Mestranda em Agronomia – Fitossanidade - UFG, bolsista Capes na Embrapa Arroz e Feijão, Santo Antônio de Goiás, GO, maythsulene@gmail.com

⁴ Dr em Genética e Melhoramento de Plantas, pesquisador da Embrapa Arroz e Feijão, Santo Antônio de Goiás, GO, leonardo.melo@embrapa.br

⁵ Dr em Genética e Melhoramento de Plantas, pesquisador da Embrapa Arroz e Feijão, Santo Antônio de Goiás, GO, helton.pereira@embrapa.br

⁶ Dr em Genética e Melhoramento de Plantas, pesquisador da Embrapa Arroz e Feijão, Santo Antônio de Goiás, GO, luis.faria@embrapa.br

⁷ Dra em Genética e Melhoramento de Plantas, docente na Universidade Federal de Goiás, Goiânia, GO, lellagarcesaraujo@gmail.com