

027 - MAPEAMENTO DE RGAS (ANÁLOGOS DE GENES DE RESISTÊNCIA) EM UM MAPA GENÉTICO DE AMENDOIM SILVESTRE *Arachis* SPP. (Mapping of RGAs (resistance gene analogues) in a genetic map of wild *Arachis*)

José, A.C.V.F.¹, Guimarães, P.M.², Leal-Bertioli, S.C.M.³, Bertioli, D.J.⁴

O amendoim é uma das leguminosas mais cultivadas no mundo. Sua baixa diversidade genética e diferença de ploidia dificulta a introgressão de resistências de parentes silvestres. A produção de um mapa de ligação baseado em SSRs e bioensaios para mapeamento de resistências é uma ferramenta produzida para auxiliar no melhoramento com seleção assistida por marcadores moleculares. A eficiência de seleção assistida depende do uso de marcadores fortemente ligados à característica de interesse. O uso de marcadores ligados a genes que codificam para proteínas envolvidas na reação de resistência já foi estabelecido. Neste contexto, 79 regiões análogas a genes de resistência (RGAs) foram previamente isoladas através de PCR. Para utilizar RGAs como marcadores, foi utilizado Southern Blot com as sondas RGA marcadas com P³². 18 RGAs de *A. stenosperma*, *A. hypogaea* e *A. cardenasii* foram genotipadas em parte de uma população segregante derivada de parentais contrastantes quanto à resistência a três espécies de fungos foliares e a *Meloidogyne arenaria* raça 1 e 2, *M. javanica* raça 4 e *M. hapla*. Será testada a resistência dos indivíduos F3 para associá-las a locus de RGAs. Assim, os RGAs relacionados poderão ser utilizados em seleção assistida. Uma nova técnica, semelhante a AFLP foi recentemente descrita e vem sendo utilizada para genotipagem de RGAs na população de mapeamento.

¹Eng. Florestal, mestranda, Universidade Católica de Brasília-UCB

²Eng. Agr., Ph.D., Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia

³Bióloga, Ph.D., Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia

⁴Biólogo, Ph.D., Universidade Católica de Brasília-UCB