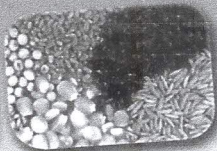




# 3º CONGRESSO BRASILEIRO DE MELHORAMENTO DE PLANTAS



9 a 12 de Maio de 2005  
Gramado - RS

## ANAIS

Embrapa  
Trigo



Passo Fundo - RS  
2005

ISBN:

Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia  
BIBLIOTECA

Embrapa

Mapeamento de RGAs (análogos de genes de resistência) em um mapa genético de amendoim silvestre *Arachis* spp. José, A.C.V.F., Messenberg, P.M. Leal-Bertioli, S.C.M. & Bertioli, D.J. Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia. CP 02372. Brasília, DF. Email: [messenbe@cenargen.embrapa.br](mailto:messenbe@cenargen.embrapa.br). Mapping of RGAs (resistance gene analogues) in a genetic map of wild *Arachis*.

O amendoim é uma das leguminosas mais cultivadas no mundo. Sua baixa diversidade genética e diferença de ploidia dificulta a introgressão de resistências de parentes silvestres. A produção de um mapa de ligação baseado em SSRs e bioensaios para mapeamento de resistências é uma ferramenta produzida para auxiliar no melhoramento com seleção assistida por marcadores moleculares. A eficiência de seleção assistida depende do uso de marcadores fortemente ligados à característica de interesse. O uso de marcadores ligados a genes que codificam para proteínas envolvidas na reação de resistência já foi estabelecido. Neste contexto, 79 regiões análogas a genes de resistência (RGAs) foram previamente isoladas através de PCR. Para utilizar RGAs como marcadores, foi utilizado Southern Blot com as sondas RGA marcadas com P<sup>32</sup>. 18 RGAs de *A. stenosperma*, *A. hypogaea* e *A. cardenasii* foram genotipadas em parte de uma população segregante derivada de parentais contrastantes quanto à resistência a três espécies de fungos foliares e a *Meloidogyne arenaria* raça 1 e 2, *M. javanica* raça 4 e *M. hapla*. Será testada a resistência dos indivíduos F3 para associá-las a locus de RGAs. Assim, os RGAs relacionados poderão ser utilizados em seleção assistida.

K. C. C. C.