

**EXPRESSÃO DE FATORES DE TRANSCRIÇÃO WRKYs NO PATOSSISTEMA SOJA-*Meloidogyne incognita*.** Expression of WRKYs transcription factors in the Soybean-*Meloidogyne incognita* pathosystem Gonçalves-Pereira, D.<sup>1</sup>; Morgante, C. V.<sup>1</sup>; Grossi-de-Sa, M. F.<sup>1</sup>. <sup>1</sup>Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia, Brasília DISTRITO FEDERAL. Email: debora.agro2000@gmail.com.

Apoio: CNPQ E EMBRAPA RECURSOS GENÉTICOS E BIOTECNOLOGIA

As estratégias atuais de manejo contra *M. incognita* não são suficientes. Assim, o desenvolvimento de alternativas sustentáveis de manejo pode ser estruturado a partir da compreensão dos mecanismos moleculares envolvidos em respostas de defesa da soja. Nesse viés, as proteínas WRKY são uma superfamília de fatores de transcrição em plantas relacionadas ao parasitismo de *M. incognita*. Esse trabalho objetivou determinar o padrão de expressão de genes que codificam WRKYs em plantas de soja inoculadas e não inoculadas com *M. incognita*, por análises comparativas de transcriptoma de raízes dos acessos suscetível (BRS133) e tolerante (PI 595099) aos 4, 12 e 30 dias após inoculação (DAI). Na análise inicial dessas WRKYs, foi identificada diferença significativa na expressão de cinco WRKYs na cultivar BRS 133, quanto ao tratamento (inoculada e não inoculada) e ao tempo. Os genes WRKY 03, WRKY 35, WRKY 40a, WRKY 40b e WRKY 50b foram regulados negativamente nas plantas inoculadas, 4 dias após a inoculação. A regulação negativa desses genes na cultivar suscetível BRS 133, quando inoculada com *M. incognita* indica que a expressão desses genes pode ser essencial ao desenvolvimento do nematoide. Fornecemos assim, evidências de que alguns genes WRKY são regulados negativamente e esta regulação parece resultar na repressão das reações de resistência da planta. Este trabalho permitirá a seleção de gene(s) candidato(s) a superexpressão para avaliar o efeito na resposta de defesa da soja a *M. incognita*.