

## **POLIMORFISMO EM POPULAÇÕES DO GAFANHOTO *Rhammatocerus schistocercoides* (ORTHOPTERA: ACRIDIDAE) REVELADO POR MARCADORES RAPD**

Silva, JBT<sup>1</sup>; Tigano, MS<sup>1</sup>; Peixoto, BP<sup>1</sup>; Cordeiro, CMT<sup>1</sup>

<sup>1</sup>Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia, Brasília-DF.

Palavras-chave: Insecta, variabilidade genética, marcador molecular.

O objetivo deste trabalho foi estudar a variabilidade genética do gafanhoto *Rhammatocerus schistocercoides* usando análise de RAPD entre indivíduos de três populações, uma da Colômbia e duas do Brasil (Goiás e Mato Grosso). Noventa marcadores binários foram selecionados através de análise de polimorfismo com o uso de 11 oligonucleotídeos. A maior parte do polimorfismo observado foi atribuída a 42 marcadores com frequência variável entre as diferentes populações. Apesar da existência de diferença significativa interpopulacional ( $P < 0,00$ ), grande proporção da variabilidade genética foi detectada dentro das populações (87,7% da variação total). As distâncias entre as populações colombianas e brasileiras foram 0,12 ( $P \geq 0,00$ ) para Goiás e 0,18 ( $P \geq 0,00$ ) para Mato Grosso. A distância obtida entre Goiás e Mato Grosso foi 0,06 ( $P \geq 0,00$ ). Estes dados indicam que as diferenças fenotípicas entre populações estão associadas principalmente às distâncias geográficas observadas entre as populações do Brasil e a da Colômbia.